

INFORME DE RESULTADOS DE SECUENCIACION DE SARS-CoV2

Informe de cambios presentes en el linaje B.1.258

La delección en la posición 69-70 puede afectar a la especificidad de algunas técnicas moleculares utilizadas para el diagnóstico de SARS-CoV-2 y que detectan únicamente el gen S que codifica la espícula del virus. Esta particularidad puede suponer una ventaja a la hora de establecer un cribado de la presencia de la variante del virus, VOC 202012/01 perteneciente al linaje B.1.1.7, ya que la ausencia de amplificación del gen S en muestras que son positivas para otras dianas puede generar la emisión de resultados que relacionen esa falta de amplificación con la presencia de la delección en la posición 69-70.

Hay que tener en cuenta que circulan variantes, que presentan la delección en la posición 69-70 en el gen S y por tanto se pueden emitir resultados erróneos modificando el porcentaje de los casos establecidos como VOC 202012/01, linaje B.1.1.7 y que se deberían confirmar por secuenciación genómica.

Este linaje está representado en la base de datos GISAID con 5.212 virus de los cuales en 3.532 presentan la delección 69-70. El primer virus de este linaje con la delección se detectó en suiza el 21/08/2020. Hasta la fecha se han detectado en el CNM 2 virus circulantes de la variante B.1.258 que presentan la delección en la posición 69-70 uno procedente de Cataluña (20-01-2020) y otro de Navarra (10-01-2021). En España, según los datos de las secuencias de GISAID, se han detectado 11 virus secuenciados.

A nivel global la delección 69-70 aparece en estos 2 linajes: B.1.258 y B.1.1.7.

